

Composición de la vacuna antigripal recomendada por la OMS para la temporada de la gripe 2022-2023 en el hemisferio norte - febrero 2022

La Organización Mundial de la Salud (OMS) realiza consultas técnicas en febrero y septiembre de cada año para recomendar los virus a incluir en la vacuna antigripal de las siguientes temporadas en el hemisferio norte y sur, respectivamente. Esta recomendación se refiere a la vacuna a utilizar en la próxima temporada 2022-2023 en el hemisferio norte.

Entre septiembre de 2021 y enero de 2022, en comparación con períodos equivalentes previos a la pandemia de COVID-19, se notificó un número bajo de detecciones de virus de la gripe, con lo cual hubo menos virus disponibles para la caracterización. Sin embargo, varios países y regiones informaron de la existencia de epidemias, con más detecciones en la temporada 2021-2022 que en la previa 2020-2021.

En el mencionado período entre septiembre de 2021 y enero de 2022, los virus de la gripe A(H1N1)pdm09, A(H3N2) y B circularon en cantidades bajas, con una proporción relativa que varió entre los países notificantes. A nivel mundial, la mayoría de estas notificaciones procedía de países en la zona templada del hemisferio norte y de países tropicales y subtropicales. En general, el porcentaje de positividad de los virus de la gripe durante este período fue inferior al 3%. Por el contrario, el porcentaje promedio de positividad durante períodos de informes similares antes de la pandemia de COVID-19 (2017-2020) fue del 17%.

A nivel mundial, los virus de la gripe tipo A predominaron en la mayoría de los países notificantes durante este período. Las detecciones de virus tipo A procedían principalmente de países del hemisferio norte, desde finales de noviembre de 2021 hasta mediados de enero de 2022. En la mayoría de los países, áreas y territorios se detectaron tanto A(H1N1)pdm09 como a A(H3N2). El subtipo A(H1N1)pdm09 fue predominante en Bangladesh, Francia, Sudáfrica y en algunos países tropicales. En el resto, predominó A(H3N2).

Los virus de la gripe A(H1N1)pdm09 analizados desde el 1 de septiembre de 2021 tenían genes de la hemaglutinina que pertenecían a dos subgrupos: 5a.1 y 5a.2. Estos dos subgrupos de virus han circulado en diferentes ubicaciones geográficas durante 2021-2022. Los antisueros de hurón generados contra los componentes A(H1N1)pdm09 de la vacuna 2021-2022 (A/Victoria/2570/2019 en huevo y A/Wisconsin/588/2019 en cultivo celular) reconocieron mal los virus 5a.1, pero bien a los virus 5a.2. Los ensayos serológicos en humanos mostraron que los anticuerpos inducidos por el componente de la vacuna A/Wisconsin/588/2019 (H1N1)pdm09 reaccionaron bien con los virus del subgrupo 5a.2, pero los títulos medios geométricos (GMT) de inhibición de la hemaglutinación se redujeron contra algunos virus del subgrupo 5a.1.

La gran mayoría de los virus A(H3N2) analizados desde el 1 de septiembre de 2021 tenían genes de la hemaglutinina que pertenecían al grupo genético 3C.2a1b.2a.2. La mayoría de los virus que han circulado recientemente fueron mal reconocidos por antisueros de hurón generados contra el componente A(H3N2) de la vacuna de la temporada 2021-22 en huevo y en cultivos celulares (A/Cambodia/e0826360/2020). Sin embargo, los antisueros de hurón producidos contra los virus 3C.2a1b.2a.2, como A/Darwin/6/2021 en cultivo celular o A/Darwin/9/2021 en huevo, inhibieron bien los virus 3C.2a1b.2a.2. Los ensayos serológicos en humanos mostraron que, en comparación con los títulos contra los virus 2a.1 similares a A/Cambodia/e0826360/2020 en cultivos celulares, las GMT posteriores a la vacunación contra virus 2a.2 en cultivos celulares se redujeron significativamente.

Todos los virus tipo B analizados desde el 1 de septiembre de 2021 eran del linaje B/Victoria/2/87. Los virus más recientes pertenecían a los subgrupos genéticos 1A.3a.1 o 1A.3a.2, predominando este último, y con una distribución geográfica más amplia. La gran mayoría de estos virus fueron mal reconocidos por antisueros de hurón generados contra el componente B de la vacuna 2021-2022 (B/Washington/02/2019). Los antisueros de hurón posteriores a la infección generados contra virus similares a B/Austria/1359417/2021 (3a.2) inhibieron bien los virus de este subgrupo. Los ensayos serológicos en humanos mostraron que los GMT posteriores a la vacunación se redujeron significativamente contra los virus 1A.3a.1 y 1A.3a.2. No se dispuso de virus de linaje B/Yamagata para la caracterización.

La OMS recomienda que las **vacunas tetravalentes para la temporada 2022-2023 en el hemisferio norte** contengan los siguientes componentes:

Vacunas basadas en huevo

- Cepa análoga a A/Victoria/2570/2019 (H1N1)pdm09;
- Cepa análoga a A/Darwin/9/2021 (H3N2);
- Cepa análoga a B/Austria/1359417/2021 (linaje B/Victoria); y
- Cepa análoga a B/Phuket/3073/2013 (linaje B/Yamagata)

Vacunas basadas en cultivo celular o recombinantes

- Cepa análoga a A/Wisconsin/588/2019 (H1N1)pdm09;
- Cepa análoga a A/Darwin/6/2021 (H3N2);
- Cepa análoga a B/Austria/1359417/2021 (linaje B/Victoria); y
- Cepa análoga a B/Phuket/3073/2013 (linaje B/Yamagata)

Se recomienda que las **vacunas trivalentes para la temporada 2022-2023 en el hemisferio norte** contengan los siguientes componentes:

Vacunas basadas en huevo

- Cepa análoga a A/Victoria/2570/2019 (H1N1)pdm09;
- Cepa análoga a A/Darwin/9/2021 (H3N2); y
- Cepa análoga a B/Austria/1359417/2021 (linaje B/Victoria)

Vacunas basadas en cultivo celular o recombinantes

- Cepa análoga a A/Wisconsin/588/2019 (H1N1)pdm09;
- Cepa análoga a A/Darwin/6/2021 (H3N2); y
- Cepa análoga a B/Austria/1359417/2021 (linaje B/Victoria)

El documento completo publicado por la OMS es accesible en:

Recommended composition of influenza virus vaccines for use in the 2022-2023 northern hemisphere influenza season

<https://www.who.int/publications/m/item/recommended-composition-of-influenza-virus-vaccines-for-use-in-the-2022-2023-northern-hemisphere-influenza-season>