

ENTREGABLES RELECOV 2.0

WP	Número	Nombre	Descripción
1	D1.1	Plan de Gestión y Gestión de datos	• Establecimiento de un plan operativo para el funcionamiento de la red incluyendo una lista de los participantes de los laboratorios RELECOV, el personal bioinformático y el personal administrativo. • Nombramiento del Comité Científico. • Documento de política de designación de autorías de las publicaciones y eventos. • Actas de las reuniones y seminarios periódicos de RELECOV. • Diseño y envío de cuestionarios específicos para conocer diferentes aspectos del trabajo de la red.
2	D2.1	Estrategia de comunicación, visibilidad y canales de difusión	• Estrategia de difusión de la red definida con los miembros de RELECOV.
2	D2.2	Informe de difusión	• Informe que incluye el análisis de las actividades de participación y su repercusión en las instituciones.
2	D2.3	Página web del proyecto	• Página web con los diferentes objetivos y resultados del proyecto.
2	D2.4	Folleto/tríptico del proyecto	• Folleto/tríptico presentando las principales características del proyecto para su difusión entre los ciudadanos e instituciones.
3	D3.1	Informe de evaluación con indicadores de resultados	• Informe con los indicadores clave de resultados que se medirán cada 12 meses.
4	D4.1	Declaración de datos a ECDC-TESSy	• Uso de la infraestructura mejorada para ampliar la declaración de datos al ECDC-TESSy, incluyendo los linajes/variantes de SARS-CoV-2, datos de virus de la gripe estacional y datos de VRS como parte de la vigilancia virológica de las IRAs e IRAGs. • Informe utilizando el sistema de recogida de datos RESPISUV para la declaración individualizada de casos de IRAs correspondientes con SARS-CoV-2, gripe, y VRS, incluyendo datos epidemiológicos recogidos por la declaración en el Centro Nacional de Epidemiología del ISCIII. • Publicación de las secuencias mediante depósito en la plataforma GISAID tanto de SARS-CoV-2 (EpiCoV), de gripe (EpiFlu) y de VRS (EpiRSV)
4	D4.2	Inclusión de los datos de secuenciación en los informes semanales de vigilancia	• Guía para la inclusión de datos de secuenciación en el informe semanal de vigilancia elaborado por el Grupo de Vigilancia de Gripe y Otros Virus Respiratorios y el Grupo de Seguimiento Diario de Mortalidad del Centro Nacional de Epidemiología-ISCIII y el Laboratorio de Gripe y Virus Respiratorios del CNM-ISCIII.
5	D5.1	Vigilancia genómica de las infecciones virales respiratorias por SARS-CoV-2, gripe y VRS	• La red de vigilancia genómica en España reforzada incluye los datos genómicos de los principales virus respiratorios, SARS-CoV-2, gripe y VRS. • Monitorización de la actualización de los datos de secuenciación genómica. • Uso de la infraestructura para otros virus respiratorios.
6	D6.1	Descripción del sistema para la transferencia de archivos y revisión de la nomenclatura bioinformática	• Inclusión de todas las plataformas bioinformáticas utilizadas por los miembros de RELECOV en un único documento que permita la transferencia de datos y secuencias genómicas.
6	D6.2	Informe RELECOV presentando cómo se publican de los datos genómicos y las secuencias generadas en plataformas de acceso público (GISAID, ENA y otras bases)	• Descripción de la coordinación para la actualización en las bases de datos públicas GISAID y ENA, con y sin automatización, de los datos genómicos generados.

DELIVERABLES RELECOV 2.0

WP	Number	Name	Description
1	D1.1	Management Plan and Data Management Plan	- Establish an updating plan for the operation of the network, including the list of members of the RELECOV laboratories, bioinformaticians and administrative staff. - Designation of the Steering-Scientific Committee. - Document of the agreement of authors for publications and papers. - Minutes of the RELECOV periodic meetings and seminars. - Design and circulation of specific on-line questionnaires to know different key topics in the network.
2	D2.1	Communication strategy, visibility and dissemination channels	Strategy of dissemination defined in coordination with members of RELECOV
2	D2.2	Dissemination report	Report including stakeholder analysis and engagement activities
2	D2.3	Project website	Website with objectives and results of the project
2	D2.4	Project leaflet/triptych	Leaflet/triptych including main features of the project for dissemination to citizens
3	D3.1	Evaluation report including key performance indicators	Report with key performance indicators that will be measured every 12 months
4	D4.1	Data reporting updates to ECDC-TESSy	- Use of the enhanced infrastructure to expand data reporting updates to ECDC-TESSy, including lineage/variants of SARS-CoV-2, seasonal Influenza virus and RSV and a virological surveillance of ARIs and SARIs. - Report using RESPISUV for ARI case-based SARS-CoV-2, influenza and including implemented data in coordination with the National Center of Epidemiology in ISCIII. - Sequences will be uploaded to GISAID platform including SARS-CoV-2 (EpiCoV), Influenza virus (EpiFlu) and RSV (EpiRSV).
4	D4.2	Inclusion of sequencing data in the weekly report	Guide for inclusion of sequence data in the weekly report prepared by the Influenza Surveillance Group and other respiratory viruses, the Daily Mortality Monitoring Group of the Public Health Surveillance Area of the National Epidemiology Center (ISCIII) and the Influenza and Respiratory Viruses Laboratory, CNM-ISCIII.
5	D5.1	Genomic surveillance of viral respiratory infections SARS-CoV-2, Influenza and RSV	- The enhanced genomic surveillance network in Spain strengthen to allow the expansion to other respiratory viral infections, including SARS-CoV-2, influenza and RSV - Monitoring the upload of sequencing data. - Use of infrastructure for other respiratory viruses
6	D6.1	Description of the file transfer and bioinformatics nomenclature mechanism	Inclusion of all different platforms used by members in a single document used for transferring of genomic data and sequences.
6	D6.2	RELECOV report describing how the genomic data and generated sequences will be released into the public domain (GISAID and ENA and other bases guidelines)	Description for a coordinated genomic data generated will be updated in public databases GISAID and ENA, with and without automatization.